

广州华银医学检验中心

Guangzhou Huayin Medical Laboratory Center

肿瘤基因NGS检测申请单及
知情同意书



广州华银医学检验中心

Guangzhou Huayin Medical Laboratory Center

肿瘤基因NGS检测申请单及知情同意书

条形码粘贴处

为保证您申请单基本信息的准确,请您使用正楷字填写 请在所选项目前的方框内打钩,示范:“√”

送检信息

送检医院: _____ 送检医生: _____ 联系电话: _____

主诉: _____ 送检科室: _____ 床位号: _____

受检者信息

姓名: _____ 年龄: _____ 性别: _____ 民族: _____ 联系电话: _____

家庭住址: _____

病理诊断: _____ 附件IHC结果: _____ 附件其他检测: _____ 附件曾接受治疗: 手术 放疗 化疗 靶向治疗 内分泌治疗 外源输血治疗

样本信息

血液	<input type="checkbox"/> EDTA抗凝全血	<input type="checkbox"/> BCT抗凝全血	<input type="checkbox"/> 非抗凝全血	<input type="checkbox"/> 血清	<input type="checkbox"/> 血浆	<input type="checkbox"/> 干血片
组织	<input type="checkbox"/> 中性福尔马林固定	<input type="checkbox"/> 乙醇固定	<input type="checkbox"/> Trizol	<input type="checkbox"/> 液氮	<input type="checkbox"/> 手术	<input type="checkbox"/> 活检
切片	<input type="checkbox"/> 冰冻	<input type="checkbox"/> 防脱	<input type="checkbox"/> 非防脱	<input type="checkbox"/> 卷片		
其他	<input type="checkbox"/> 石蜡块	<input type="checkbox"/> DNA	<input type="checkbox"/> 胸腹水	<input type="checkbox"/> 分泌物	<input type="checkbox"/> 脱落细胞	<input type="checkbox"/> 痰液
原病理号						采集时间

检验项目

靶安心个体化检测 肿瘤13基因

肿瘤个体化基因检测

- 肿瘤个体化用药 (73基因)
- 肺癌个体化用药 (4融合基因)
- 肺癌个体化用药 (21基因)
- 肿瘤个体化用药 (108基因) +MSI检测
- 肿瘤个体化用药 (409基因) +TMB检测

肿瘤个体化液体活检

- 肺癌个体化用药ctDNA (12基因突变+融合+扩增)
- 肺癌个体化用药ctDNA (10基因)
- 肿瘤个体化用药ctDNA (40基因)

遗传性肿瘤基因检测

- 遗传性肿瘤套餐基因 (57基因)
- 林奇综合征MMR基因 (MLH1/MSH2/MSH6/PMS2)
- DNA损伤修复基因 (45基因)

其他:

知情同意

随着肿瘤基因组学研究的深入,肿瘤已被确定是一种由DNA变异不断累积而导致细胞发生不受控激增并形成新生物的遗传疾病。大量的研究表明,每个肿瘤患者,即使同一种肿瘤,其致病因素和体内突变的基因不尽相同,这就是肿瘤的异质性,这些差异导致了每名患者对于相同的抗肿瘤药物所表现出来的敏感性与毒副反应不尽相同。因此更完善的肿瘤靶标基因检测,使医生可以根据癌症患者自身携带的基因变异制定个体化的治疗方案,最大程度地发现潜在可用的靶向药物并提高抗癌药物的治疗效率。

肿瘤个体化治疗靶标基因NGS检测项目,主要是采用高通量测序(NGS)技术对与肿瘤药物相关的多个靶标进行检测的一项技术服务,因其检测全面性高,能够及时评估肿瘤个体化治疗用药的适用程度。但受限于医学发展及技术条件,该检测仍存在一定局限性:

1. 受限于送检标本。我们在检测前会对标本进行质检,二代测序技术对标本质量要求良好,对标本量需求低,但对超出检测极限的标本我们无法完成检测。

2. 对于未包含在检测包内的基因及位点,无法提供相关信息;

3. 受限于医学研究的现状,鉴于当前的检测技术水平的限制和个体差异等原因,即使检测人员履行了工作职责和操作流程,检测结果也不能100%与临床相符。

本人已知晓上述内容并承诺以上填写资料全部属实,本人自愿进行上述检测。

受检者签名: _____ (或) 监护人签名: _____

肿瘤基因NGS检测申请单及知情同意书

条形码粘贴处

为保证您申请单基本信息的准确,请您使用正楷字填写 请在所选项目前的方框内打钩,示范:“

送检信息

送检医院: _____ 送检医生: _____ 联系电话: _____

主诉: _____ 送检科室: _____ 床位号: _____

受检者信息

姓名: _____ 年龄: _____ 性别: _____ 民族: _____ 联系电话: _____

家庭住址: _____

病理诊断: _____ 附件IHC结果: _____ 附件其他检测: _____ 附件曾接受治疗: 手术 放疗 化疗 靶向治疗 内分泌治疗 外源输血治疗

样本信息

血液	<input type="checkbox"/> EDTA抗凝全血	<input type="checkbox"/> BCT抗凝全血	<input type="checkbox"/> 非抗凝全血	<input type="checkbox"/> 血清	<input type="checkbox"/> 血浆	<input type="checkbox"/> 干血片
组织	<input type="checkbox"/> 中性福尔马林固定	<input type="checkbox"/> 乙醇固定	<input type="checkbox"/> Trizol	<input type="checkbox"/> 液氮	<input type="checkbox"/> 手术	<input type="checkbox"/> 活检
切片	<input type="checkbox"/> 冰冻	<input type="checkbox"/> 防脱	<input type="checkbox"/> 非防脱	<input type="checkbox"/> 卷片		
其他	<input type="checkbox"/> 石蜡块	<input type="checkbox"/> DNA	<input type="checkbox"/> 胸腹水	<input type="checkbox"/> 分泌物	<input type="checkbox"/> 脱落细胞	<input type="checkbox"/> 痰液
原病理号				采集时间		

检验项目

靶安心个体化检测 肿瘤13基因

肿瘤个体化基因检测

- 肿瘤个体化用药 (73基因)
- 肺癌个体化用药 (4融合基因)
- 肺癌个体化用药 (21基因)
- 肿瘤个体化用药 (108基因) +MSI检测
- 肿瘤个体化用药 (409基因) +TMB检测

肿瘤个体化液体活检

- 肺癌个体化用药ctDNA (12基因突变+融合+扩增)
- 肺癌个体化用药ctDNA (10基因)
- 肿瘤个体化用药ctDNA (40基因)

遗传性肿瘤基因检测

- 遗传性肿瘤套餐基因 (57基因)
- 林奇综合征MMR基因 (MLH1/MSH2/MSH6/PMS2)
- DNA损伤修复基因 (45基因)

其他:

知情同意

随着肿瘤基因组学研究的深入,肿瘤已被确定是一种由DNA变异不断累积而导致细胞发生不受控激增并形成新生物的遗传疾病。大量的研究表明,每个肿瘤患者,即使同一种肿瘤,其致病因素和体内突变的基因不尽相同,这就是肿瘤的异质性,这些差异导致了每名患者对于相同的抗肿瘤药物所表现出来的敏感性与毒副反应不尽相同。因此更完善的肿瘤靶标基因检测,使医生可以根据癌症患者自身携带的基因变异制定个体化的治疗方案,最大程度地发现潜在可用的靶向药物并提高抗癌药物的治疗效率。

肿瘤个体化治疗靶标基因NGS检测项目,主要是采用高通量测序(NGS)技术对与肿瘤药物相关的多个靶标进行检测的一项技术服务,因其检测全面性高,能够及时评估肿瘤个体化治疗用药的适用程度。但受限于医学发展及技术条件,该检测仍存在一定局限性:

1. 受限于送检标本。我们在检测前会对标本进行质检,二代测序技术对标本质量要求良好,对标本量需求低,但对超出检测极限的标本我们无法完成检测。

2. 对于未包含在检测包内的基因及位点,无法提供相关信息;

3. 受限于医学研究的现状,鉴于当前的检测技术水平的限制和个体差异等原因,即使检测人员履行了工作职责和操作流程,检测结果也不能100%与临床相符。

本人已知晓上述内容并承诺以上填写资料全部属实,本人自愿进行上述检测。

受检者签名: _____ (或) 监护人签名: _____

肿瘤基因NGS检测申请单及知情同意书

条形码粘贴处

为保证您申请单基本信息的准确,请您使用正楷字填写 请在所选项目前的方框内打钩,示范:“送检信息

送检医院: _____ 送检医生: _____ 联系电话: _____

主诉: _____ 送检科室: _____ 床位号: _____

受检者信息

姓名: _____ 年龄: _____ 性别: _____ 民族: _____ 联系电话: _____

家庭住址: _____

病理诊断: _____ 附件IHC结果: _____ 附件其他检测: _____ 附件曾接受治疗: 手术 放疗 化疗 靶向治疗 内分泌治疗 外源输血治疗

样本信息

血液	<input type="checkbox"/> EDTA抗凝全血	<input type="checkbox"/> BCT抗凝全血	<input type="checkbox"/> 非抗凝全血	<input type="checkbox"/> 血清	<input type="checkbox"/> 血浆	<input type="checkbox"/> 干血片
组织	<input type="checkbox"/> 中性福尔马林固定	<input type="checkbox"/> 乙醇固定	<input type="checkbox"/> Trizol	<input type="checkbox"/> 液氮	<input type="checkbox"/> 手术	<input type="checkbox"/> 活检
切片	<input type="checkbox"/> 冰冻	<input type="checkbox"/> 防脱	<input type="checkbox"/> 非防脱	<input type="checkbox"/> 卷片		
其他	<input type="checkbox"/> 石蜡块	<input type="checkbox"/> DNA	<input type="checkbox"/> 胸腹水	<input type="checkbox"/> 分泌物	<input type="checkbox"/> 脱落细胞	<input type="checkbox"/> 痰液
原病理号				采集时间		

检验项目

靶安心个体化检测 肿瘤13基因

肿瘤个体化基因检测

- 肿瘤个体化用药 (73基因)
- 肺癌个体化用药 (4融合基因)
- 肺癌个体化用药 (21基因)
- 肿瘤个体化用药 (108基因) +MSI检测
- 肿瘤个体化用药 (409基因) +TMB检测

- 肿瘤个体化用药55基因
- 靶安心肿瘤个体化用药 (40基因)
- 肿瘤个体化用药 (WES+融合) +TMB检测+MSI检测
- 结直肠癌个体化用药 (59基因) +MSI检测+MMR蛋白检测
- 肿瘤个体化化疗 (26基因)

肿瘤个体化液体活检

- 肺癌个体化用药ctDNA (12基因突变+融合+扩增)
- 肺癌个体化用药ctDNA (10基因)
- 肿瘤个体化用药ctDNA (40基因)

- 肿瘤个体化用药ctDNA检测 (108基因)
- 结直肠癌个体化用药ctDNA检测 (59基因)

遗传性肿瘤基因检测

- 遗传性肿瘤套餐基因 (57基因)
- 林奇综合征MMR基因 (MLH1/MSH2/MSH6/PMS2)
- DNA损伤修复基因 (45基因)

- 遗传性乳腺癌/卵巢癌综合征BRCA1/2基因
- 遗传性肿瘤套餐基因 (106基因)

其他:

知情同意

随着肿瘤基因组学研究的深入,肿瘤已被确定是一种由DNA变异不断累积而导致细胞发生不受控激增并形成新生物的遗传疾病。大量的研究表明,每个肿瘤患者,即使同一种肿瘤,其致病因素和体内突变的基因不尽相同,这就是肿瘤的异质性,这些差异导致了每名患者对于相同的抗肿瘤药物所表现出来的敏感性与毒副反应不尽相同。因此更完善的肿瘤靶标基因检测,使医生可以根据癌症患者自身携带的基因变异制定个体化的治疗方案,最大程度地发现潜在可用的靶向药物并提高抗癌药物的治疗效率。

肿瘤个体化治疗靶标基因NGS检测项目,主要是采用高通量测序(NGS)技术对与肿瘤药物相关的多个靶标进行检测的一项技术服务,因其检测全面性高,能够及时评估肿瘤个体化治疗用药的适用程度。但受限于医学发展及技术条件,该检测仍存在一定局限性:

1. 受限于送检标本。我们在检测前会对标本进行质检,二代测序技术对标本质量要求良好,对标本量需求低,但对超出检测极限的标本我们无法完成检测。

2. 对于未包含在检测包内的基因及位点,无法提供相关信息;

3. 受限于医学研究的现状,鉴于当前的检测技术水平的限制和个体差异等原因,即使检测人员履行了工作职责和操作流程,检测结果也不能100%与临床相符。

本人已知晓上述内容并承诺以上填写资料全部属实,本人自愿进行上述检测。

受检者签名: _____ (或) 监护人签名: _____